

# Наиболее полезные функции геномного браузера на сервере NCBI

Общая схема записи

Первое рабочее окно  
(можно создать новые через меню Tools)

**Название записи [DEFINITION]**  
Dechlorosoma suillum PS chromosome, complete genome

**Идентификатор записи [ACCESSION]**  
NCBI Reference Sequence: NC\_016616.1

**Настройка приближения**  
(при самом большом отдалении весь геном вписан в окошко, при последнем приближении можно рассмотреть ДНК!)

**Настройка того, что вы хотите видеть в содержательной части**  
(например, можно отключить панель "STS markers", оставив только панель "Genes", интересующую вас сейчас)

**Приблизить выделенную область**  
(можно выделить тут мышью область и в выпавшем меню выбрать "Zoom on range")

**Перемещение видимой области**  
(влево или вправо. А можно также перемещать, зажав левую кнопку мыши в области с генами и двигая ее туда-сюда)

(то же самое можно сделать, нажав на 'x')

**Переход к определенным координатам**

(например, если ввести координаты своего гена в виде begin..end, то браузер перенесется к нему и установит такое увеличение, что ген будет точно вписан в окно)

**Добавить новое рабочее окно**

(если нужно рассмотреть в одном геноме несколько областей, удобно пользоваться несколькими окнами)

**Сохранить картинку в формате pdf**

(очень рекомендуется, потом если что всегда можно вырезать из нее нужный кусок)  
(можно сохранять одно или несколько рабочих окон)

- Tools
- Configure
- Go To
- Search
- Flip Strands
- Markers
- Set Origin
- Sequence Text View
- Add new Panel
- Add new Panel on Range
- BLAST and Primer Search
- Download
- Printer-Friendly Page/PDF