

	Метка поля	Содержание		
		для своего белка	Для ортолога 1	Для ортолога 2
I. Основные поля				
Идентификатор записи	ID	TENA_BACSU	A7Z3F4_BACA2	Q73DB8_BACC1
Код доступа первый ("Accession number")	AC	P25052	A7Z3F4	Q73DB8
Код(ы) доступа остальные)	RX	MEDLINE=91100316; PubMed=1898926	PubMed=17704766; DOI=10.1038/nbt1325	PubMed=14960714; DOI=10.1093/nar/gkh258
Дата создания документа	DT	01-MAY-1992	23-OCT-2007	05-JUL-2004
Дата последнего исправления аннотации	DT	09-JAN-2013	09-JAN-2013	06-FEB-2013
Название (краткое описание) белка	DE	RecName: Full=Thiaminase -2; EC=3.5.99.2; AltName: Full=Thiaminase II; AltName: Full=Transcriptional activator TenA	SubName: Full=TenA;	SubName: Full=Transcriptional activator TenA, putative
Название организма	OS	Bacillus subtilis (strain 168)	Bacillus amyloliquefaciens (strain FZB42)	Bacillus cereus (strain ATCC 10987)
Таксономия	OC	Bacteria; Firmicutes; Bacilli; Bacillales; Bacillaceae; Bacillus	Bacteria; Firmicutes; Bacilli; Bacillales; Bacillaceae; Bacillus	Bacteria; Firmicutes; Bacilli; Bacillales; Bacillaceae; Bacillus; Bacillus cereus group
Название гена и синонимы	GN	Name=tenA; OrderedLocusNames=BSU11650	Name=tenA; OrderedLocusNames=RBAM_011660	OrderedLocusNames=BCE_0795
Номер публикации	RN	[1]	[1]	[1]
Автор(-ы) публикации	RA	Pang A.S.-H., Nathoo S., Wong S.-L.	Chen X.H., Koumoutsi A., Scholz R., Eisenreich A., Schneider K., Heinemeyer I., Morgenstern B., Voss B., Hess W.R., Reva O., Junge H., Voigt B., Jungblut P.R., Vater J., Suessmuth R., Liesegang H., Strittmatter A., Gottschalk G., Borriss R.	Rasko D.A., Ravel J., Okstad O.A., Helgason E., Cer R.Z., Jiang L., Shores K.A., Fouts D.E., Tourasse N.J., Angiuoli S.V., Kolonay J., Nelson W.C., Kolsto A.-B., Fraser C.M., Read T.D.
Название публикации	RT	"Cloning and characterization of a pair of novel genes that regulate production of extracellular enzymes in Bacillus subtilis."	"Comparative analysis of the complete genome sequence of the plant growth-promoting bacterium Bacillus amyloliquefaciens FZB42."	"The genome sequence of Bacillus cereus ATCC 10987 reveals metabolic adaptations and a large plasmid related to Bacillus anthracis pXO1."
Журнал	RL	J. Bacteriol. 173:46-54(1991)	Nat. Biotechnol. 25:1007-1014(2007)	Nucleic Acids Res. 32:977-988(2004)

Чем обосновано существование белка	PE	1: Evidence at protein level	4: Predicted	4: Predicted
Ссылка (-и) на базу 3D структур PDB	DR	PDB; 1TO9; X-ray; 2.40 A; A/B=1-236. PDB; 1TYH; X-ray; 2.54 A; A/B/D/E=2-236. PDB; 1YAF; X-ray; 2.60 A; A/B/C/D=1-236. PDB; 1YAK; X-ray; 2.50 A; A/B/C/D=1-236. PDB; 2QCX; X-ray; 2.20 A; A/B=1-236. ProteinModelPortal ; P25052 Gene3D; 1.20.910.10; Haem_Oase-like_multi-hlx;	ProteinModelPortal; A7Z3F4; Gene3D; 1.20.910.10; Haem_Oase-like_multi-hlx;	ProteinModelPortal; Q73DB8; Gene3D; 1.20.910.10; Haem_Oase-like_multi-hlx;
Комментарии о функции	CC	-!- FUNCTION: Stimulates the production of several extracellular degradative enzymes at the transcriptional level, probably by interfering with DegS and DegU, which are required for this effect. Is not an essential protein, but affects the sporulation frequency.	Нет данных	Нет данных
Комментарии о сходстве последовательностей	CC	-!- SIMILARITY: Belongs to the thiaminase-2 family.	Нет данных	Нет данных
Особенность: активный сайт	FT	ACT_SITE 135 135 Nucleophile.	Нет данных	Нет данных
Особенность: альфа-спираль	FT	HELIX 3 10 HELIX 12 19 HELIX 22 29 HELIX 34 61 HELIX 65 93 HELIX 97 101 HELIX 107 120 HELIX 125 146 HELIX 154 163 HELIX 166 184 HELIX 188 213	Нет данных	Нет данных