

# Сравнение доменов SCOP, ECOD, CATH и Pfam

Для структуры 3NTU был произведен поиск доменов в [Pfam](#), [SCOPE](#), [CATH](#) и [ECOD](#). В структуре 3NTU есть два домена: N-концевой ДНК-связывающий Helix-Hairpin-Helix и каталитический домен RadA (рис. 1). В таблице 1 приведены границы каталитического домена в различных сервисах. Видно, что левая граница домена определена по-разному, только у CATH и ECOD она совпадает. Таким образом, для данного белка нет строгого и однозначного определения границы каталитического домена.



Source	Domain	Start	End	Gathering threshold (bits)		Score (bits)		E-value	
				Sequence	Domain	Sequence	Domain	Sequence	Domain
<b>Pfam A</b>	<a href="#">HHH_5</a>	1	58	27.00	27.00	53.50	50.70	3e-11	2.2e-10
<b>disorder</b>	n/a	2	7	n/a	n/a	n/a	n/a	n/a	n/a
<b>Pfam A</b>	<a href="#">Rad51</a>	61	322	20.20	20.20	284.30	284.00	8.6e-82	1.1e-81
<b>disorder</b>	n/a	228	229	n/a	n/a	n/a	n/a	n/a	n/a

Рисунок 1. Результат поиска доменов в структуре белка RadA на сайте Pfam.

Таблица 1. Сравнение доменов SCOP/SCOPE, ECOD, CATH и Pfam

База данных	Идентификатор домена	Границы домена
Pfam	Rad51	61-322
SCOPE	d3ntua2	64-322
CATH	4b3bA00	67-322
ECOD	e1n0wA1	67-322