

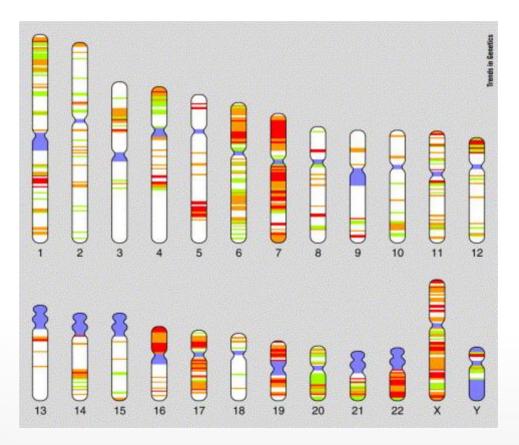
Перестройки в геномах

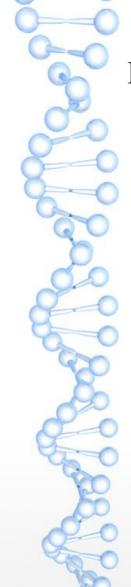
С.А. Спирин

sas@belozersky.msu.ru

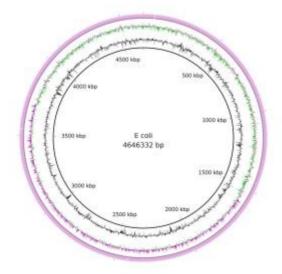
МФК "Биоинформатика", 17 мая 2023

Геном человека: 24 ядерных хромосомы + одна митохондриальная





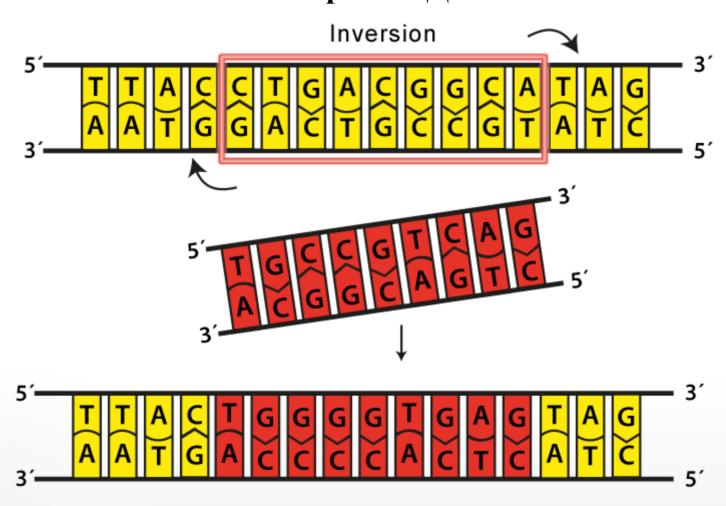
Геномы бактерий



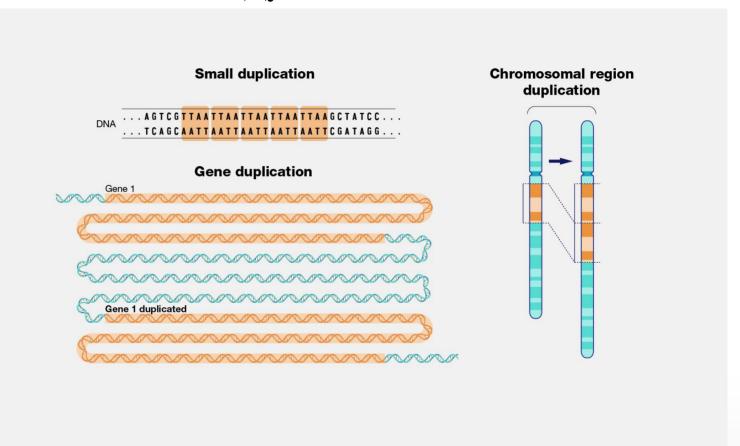
https://www.seqmatic.com/services/dna-sequencing/bacterial-genome-sequencing/

Одна кольцевая хромосома Чаще одна кольцевая хромосома и несколько плазмид Бывает две или три хромосомы (+ плазмиды) Грань между хромосомой и плазмидой условная; обычно плазмиды меньше 100 000 п.н.

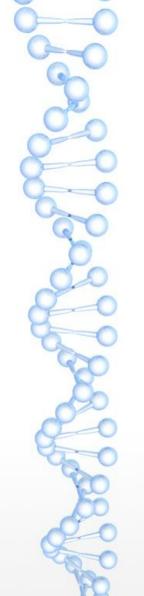
Инверсия в ДНК



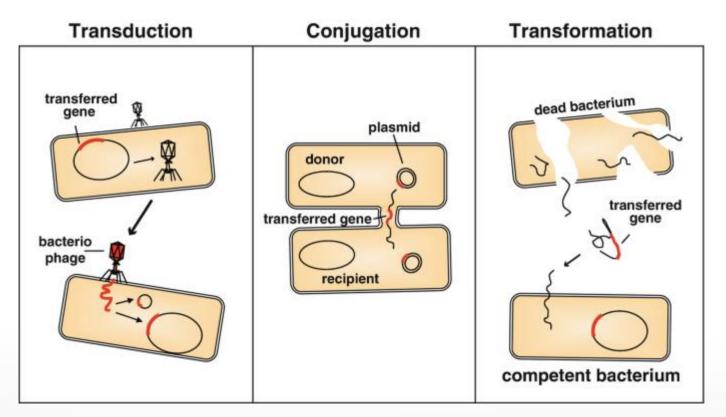
Дупликация



https://www.genome.gov/genetics-glossary/Duplicatior https://www.youtube.com/watch?v=dHdA3m4zeuM

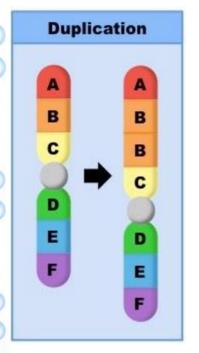


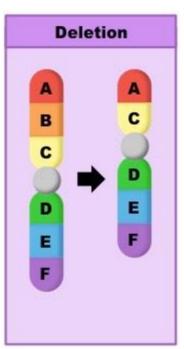
Вставка нового генетического материала (горизонтальный перенос)

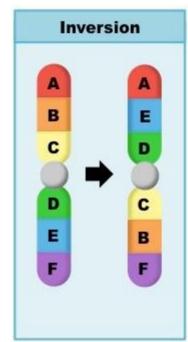


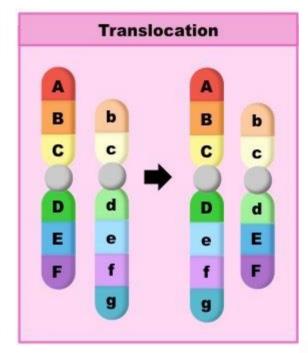
Blokesch, M. (2015). Protocols for Visualizing Horizontal Gene Transfer in Gram-Negative Bacteria Through Natural Competence. In: McGenity, T.J., Timmis, K.N., Nogales, B. (eds) Hydrocarbon and Lipid Microbiology Protocols. Springer Protocols Handbooks. Springer, Berlin, Heidelberg. https://doi.org/10.1007/8623 2015 46

Ещё бывают транслокации







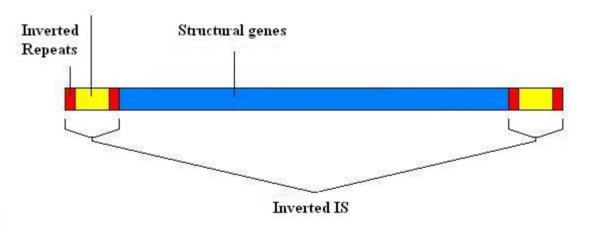


https://ib.bioninja.com.au/standard-level/topic-3-genetics/32-chromosomes/block-mutations.html

Транспозоны

Bacterial composite transposon

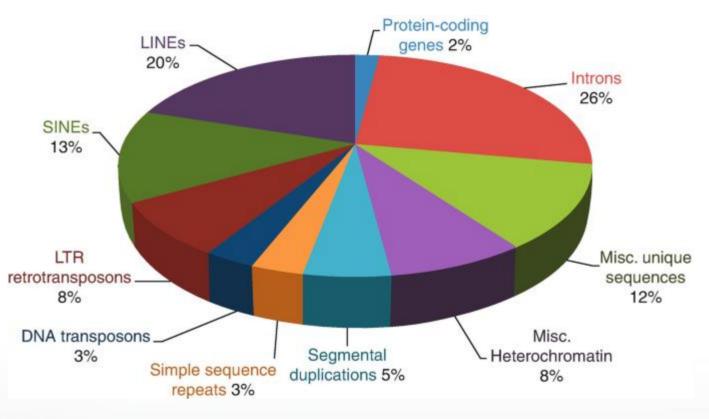
Genes for transposition



https://en.wikipedia.org/wiki/Transposable_element

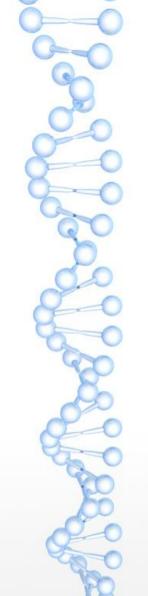
Транспозон — «геномный паразит», участок ДНК, способный копировать себя в другое место

Состав генома человека

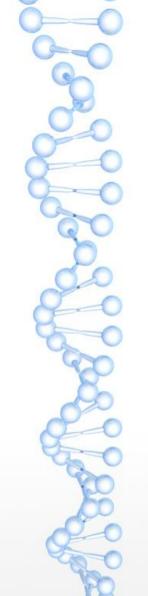


Pena, S.D.J. (2021). An Overview of the Human Genome. In: Haddad, L.A. (eds) Human Genome Structure, Function and Clinical Considerations. Springer, Cham. https://doi.org/10.1007/978-3-030-73151-9_1

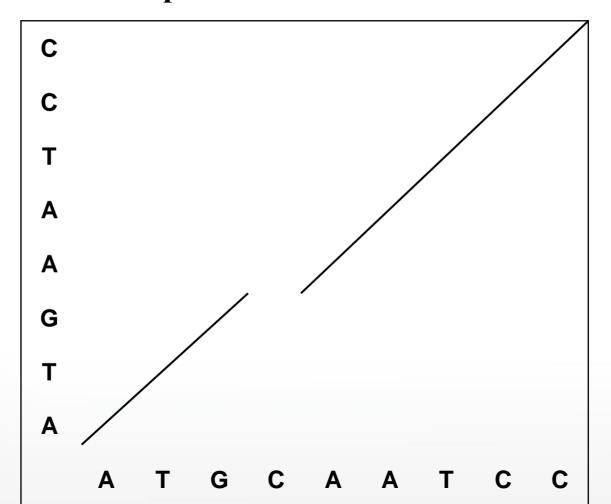
	Α	Т	G	С	Α	Α	Т	С	С
Α									
Т									
G									
Α									
Α									
Т									
С									
С									

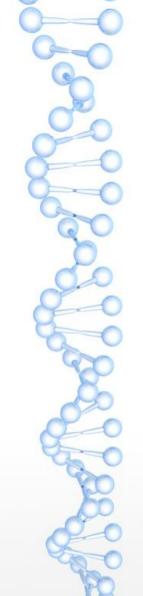


С				х				х	x
С				x				x	x
Т		x					X		
Α	x				x	x			
Α	x				x	x			
G			x						
Т		x					x		
Α	x				x	x			
	Α	Т	G	С	Α	Α	Т	С	С



С				X				X	X
С				х				X	x
Т		x					X		
A	x				x	X			
Α	x				x	X			
G			x						
Т		x					x		
Α	X				x	x			
	Α	Т	G	С	Α	Α	Т	С	С





Учёт комплементарной цепи

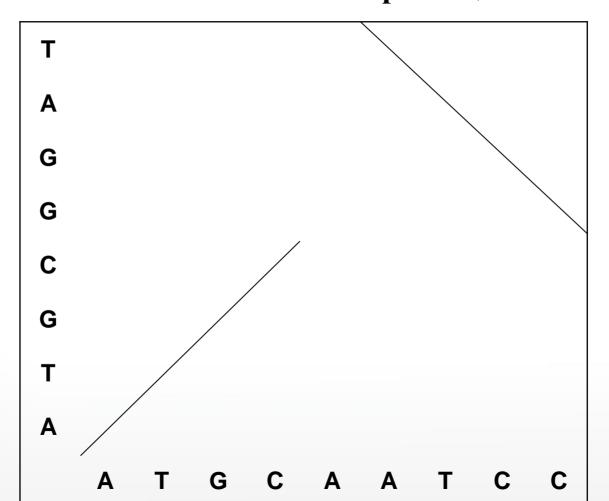
Т	O	x			O	0	x		
Α	x	0			x	x	0		
G			x	o			x	O	0
G			х	o				O	O
С			O	x				x	х
G			х	o				O	О
Т	o	x			o	o	x		
Α	x	o			x	x	o		
	Α	Т	G	С	Α	Α	Т	С	С



Учёт комплементарной цепи

Т	0	x			0	0	x		
Α	x	0			x	x	0		
G			x	0			X	6	0
G			x	O				0	0
С			o	x				x	х
G			x	0				0	0
Т	0	x			0	0	x		
Α	x	0			x	x	0		
	Α	Т	G	С	Α	Α	Т	С	С

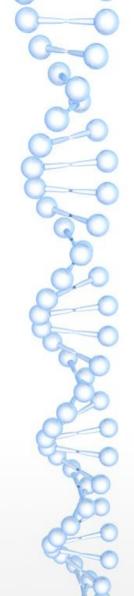
Учёт комплементарной цепи



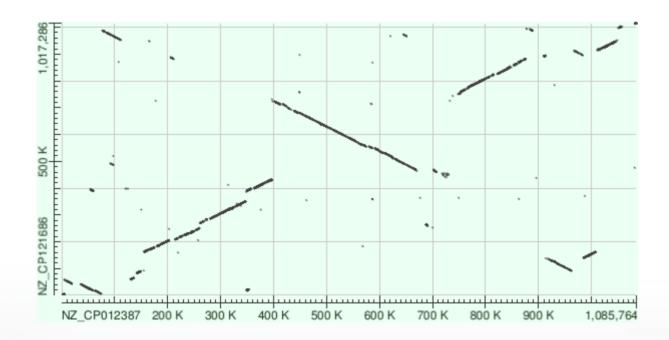


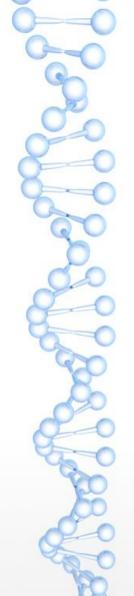
Участок выравнивания двух геномов

1M.mycoides 1M.capricolum		1130 1158
1M.mycoides 1M.capricolum	1131 TGTATTCACCTTTTTTAATATATAAAACTCCA <mark>G</mark> AAA <mark>G</mark> AAAATC 1 1159 TATATTCACCTTTTTTAACATATAAAACTCCA <mark>G</mark> AAA <mark>G</mark> AAAATC 1	1173 1201
1M.mycoides 1M.capricolum		1216 1244
1M.mycoides 1M.capricolum		1259 1287
1M.mycoides 1M.capricolum		1302 1330

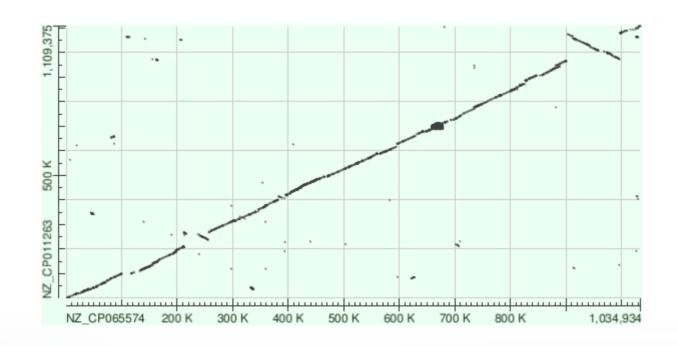


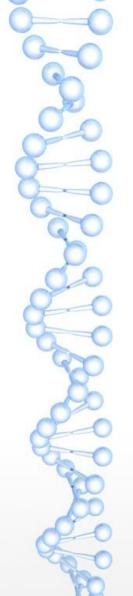
Mycoplasma mycoides vs Mycoplasma capricolum





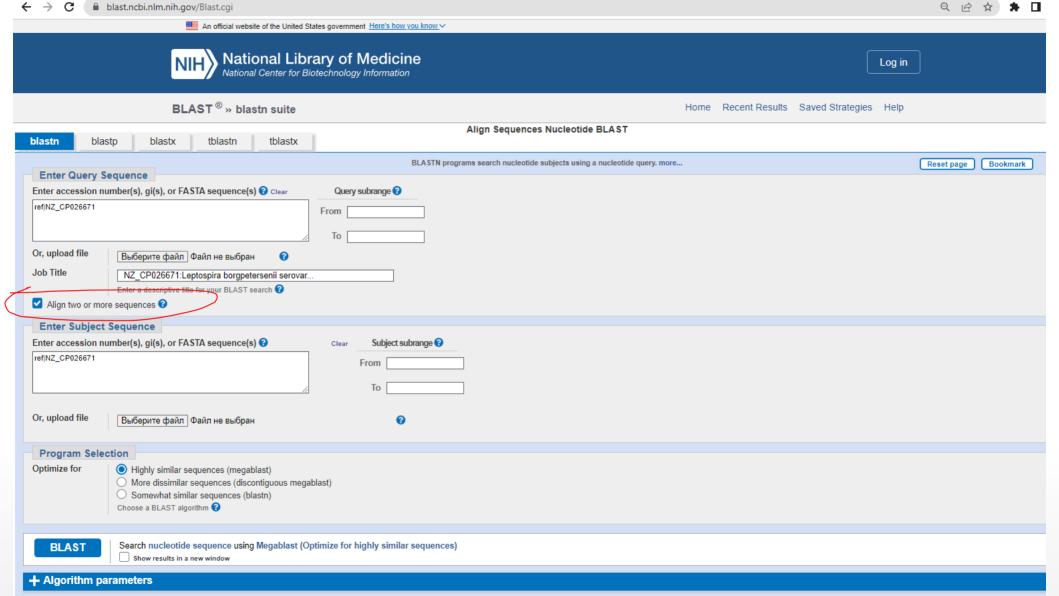
Два подвида Mycoplasma mycoides

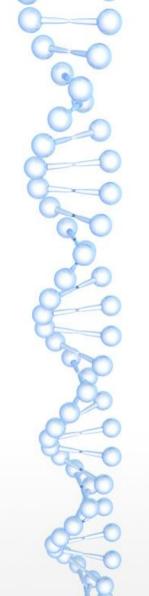




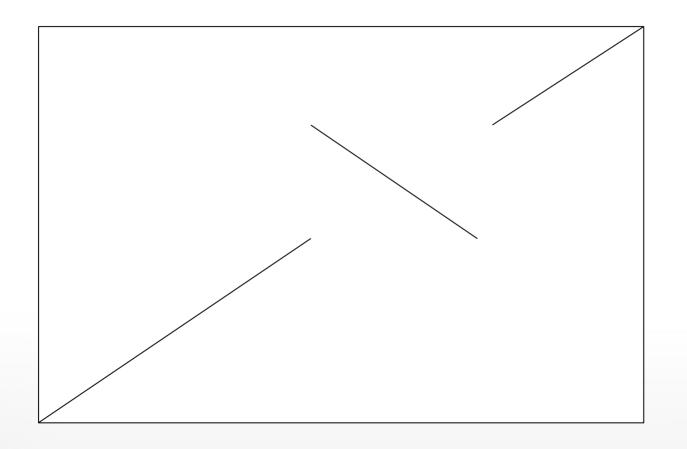
Два алгоритма

- (1) «Скользящее окно». На каждой диагонали смотрим на все подряд идущие 10 (или другое число) позиций и считаем вес соответствующего выравнивания (например: прибавляем 1 за каждое совпадение и вычитаем 2 за каждое несовпадение). Если вес больше некоторого порога, рисуем отрезок.
- (2) Находим все локальные выравнивания с весом больше заданного порога и изображаем их https://blast.ncbi.nlm.nih.gov/Blast.cgi

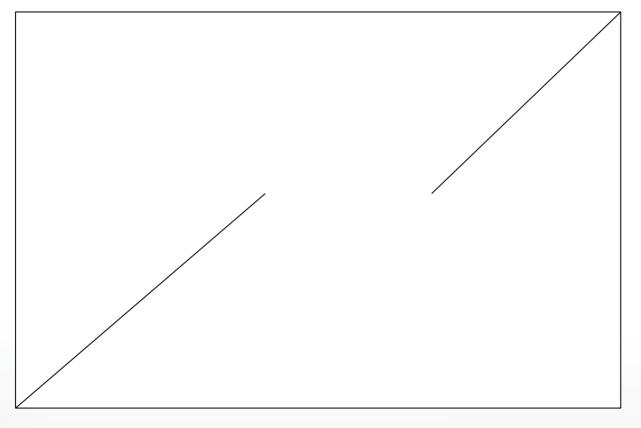




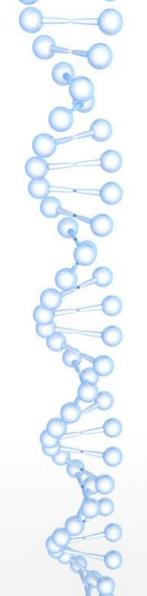
Инверсия



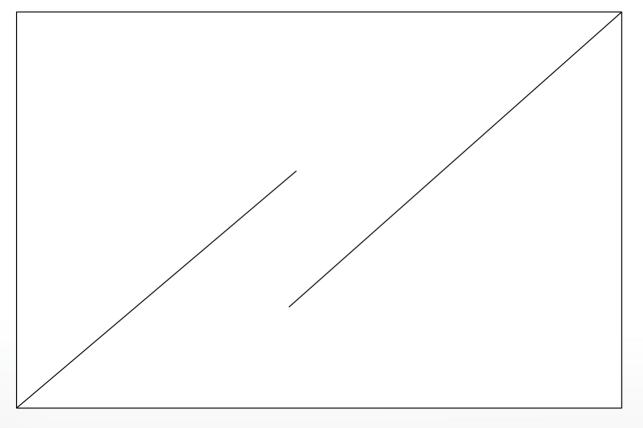
Индель

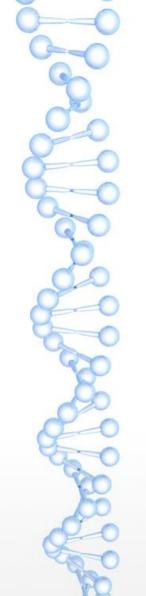


Либо делеция в «вертикальной» последовательности, либо вставка в «горизонтальной»

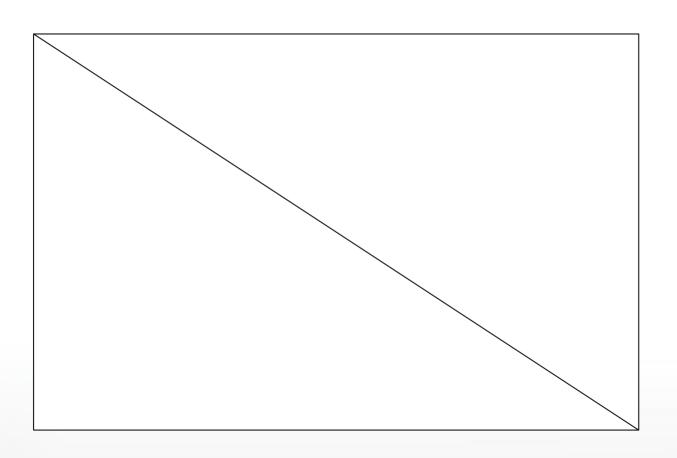


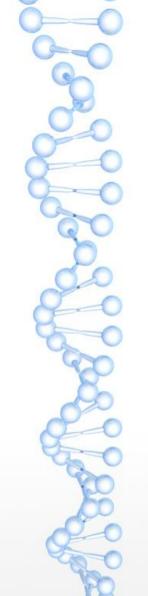
Дупликация



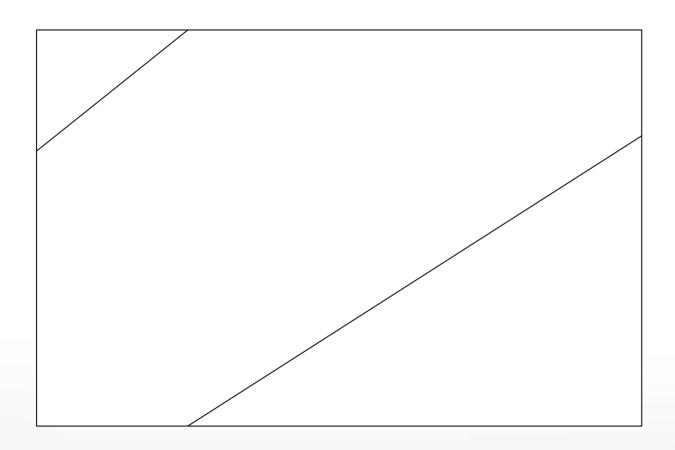


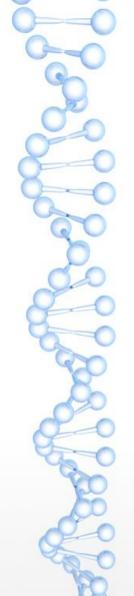
А вот это что значит?





А вот это?



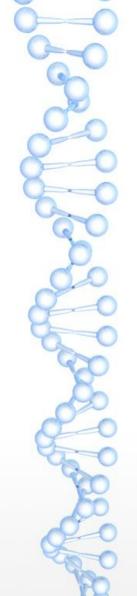


Запись кольцевой ДНК в банк псоледовательностей

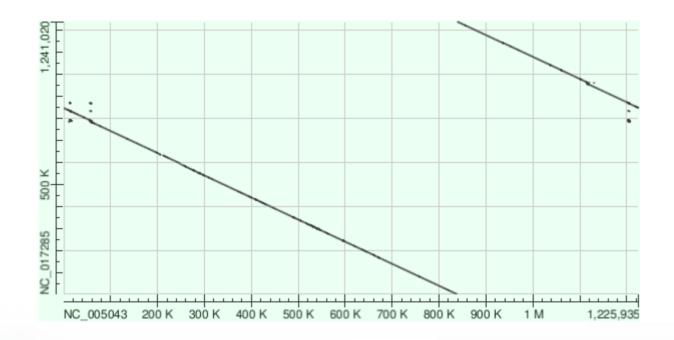
Две проблемы:

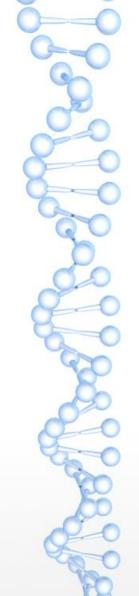
- (1) (общая с линейными ДНК) какую цепь выбрать?
- (2) где начать?

Обе проблемы часто решаются случайным образом :((хотя для второй есть рекомендация: начать в точке репликации. Но её не всегда можно предсказать).

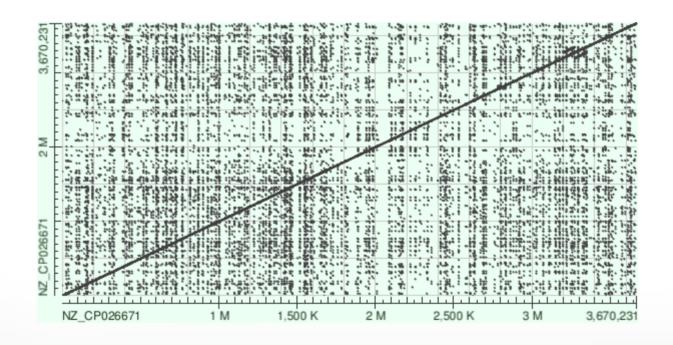


Два штамма Chlamydia pneumoniae

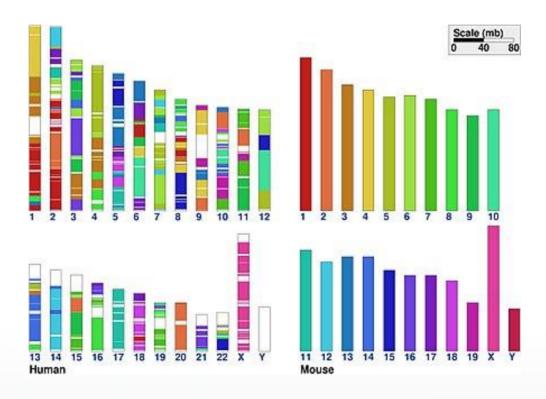




Геном Leptospira borgpetersenii против себя же



Синтении между геномами человека и мыши



https://en.wikipedia.org/wiki/Synteny

Сравнение геномов человека и шимпанзе $\frac{1}{1+c}$ $\frac{2}{1+c}$ $\frac{3}{1+c}$ $\frac{4}{1+c}$ $\frac{5}{1+c}$ $\frac{6}{1+c}$ $\frac{7}{1+c}$ $\frac{8}{1+c}$ $\frac{9}{1+c}$ $\frac{10}{1+c}$ $\frac{11}{1+c}$ $\frac{12}{1+c}$ $\frac{13}{1+c}$ $\frac{14}{1+c}$ $\frac{15}{1+c}$ $\frac{16}{1+c}$ $\frac{17}{1+c}$ $\frac{18}{1+c}$ $\frac{19}{1+c}$ $\frac{20}{1+c}$ $\frac{21}{1+c}$ $\frac{22}{1+c}$ $\frac{x}{1+c}$ $\frac{y}{1+c}$

