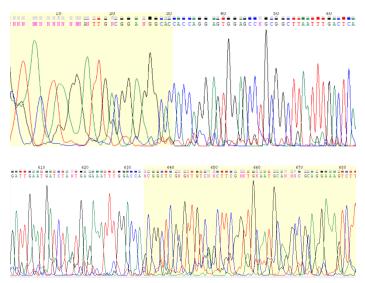
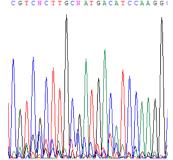
Отчет по практикуму №6 (секвенирование по Сэнгеру)

Неверова-Симчит Елена, 202 группа

- 1. Название предложенного файла Исходя из <u>списка</u>: 19_F.ab1.
- 2. Длина хроматограммы 774 нуклеотида.
- 3. Длины начального и конечного трудно читаемых фрагментов Длина начального трудно читаемого фрагмента 40 нуклеотидов (до 40), конечного 140 нуклеотидов (от 634).



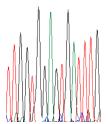


240 250 250 260 4. Отношение сигнала и шума в среднем

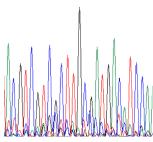
Уровень шума на протяжении большей части хроматограммы не слишком высокий. Есть локальные области, где шум выше среднего, например, 240-253. Также высокий шум в начальном и конечном трудно читаемых фрагментах.

5. Примеры

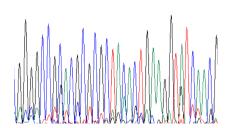
а. "шума" почти нет



b. "шум" мешает интерпретации сигнала



с. "шум" есть, но не мешает интерпретации сигнала

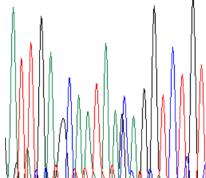


6. Проблемные нуклеотиды или полиморфизмы

Ī.

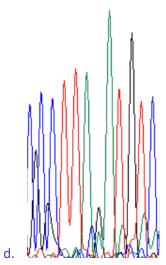
- а. 373 нуклеотид
- b. Полиморфизм
- с. Гетерозигота

360 370 38 ATTGA GCAATAANAGGTCTGT



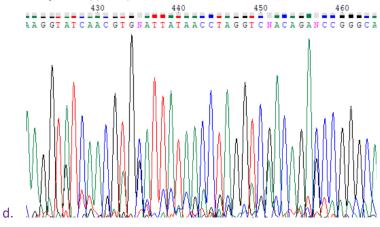
- а. 391 нуклеотид
- b. Разное расстояние между сигналами
- с. Необходимо удалить 91 нуклеотид (букву N) в интерпретации сигнала





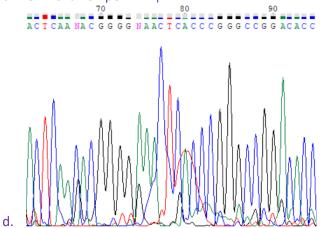
III.

- а. 426-460 нуклеотиды
- b. Появление вторых пиков
- с. Результат делеции



IV.

- а. 80 нуклеотид
- b. Полиморфизм
- с. Ошибка во время ПЦР



- а. 234 нуклеотид
- b. Шум



