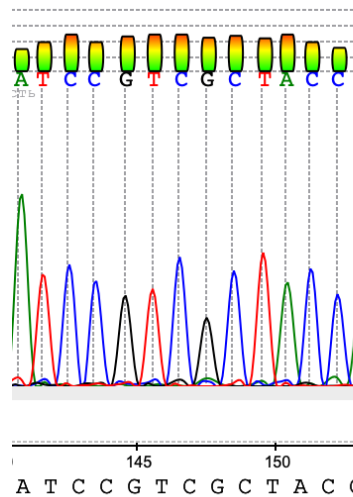


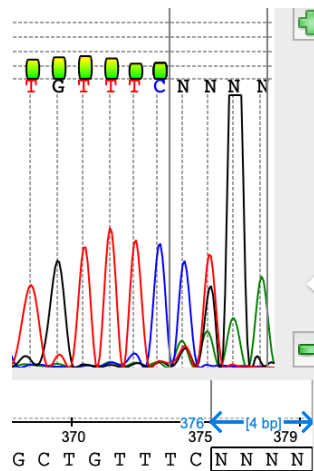
1. Файл - 34_F.ab1
2. Длина хроматограммы - 379 bp
3. Длина начального трудно читаемого фрагмента - 36 bp
Длина конечного трудно читаемого фрагмента - 4 bp
4. Отношение сигнала и шума в среднем: Уровень шума низкий почти по всей длине хроматограммы

5. Примеры:

а. Почти нет шума

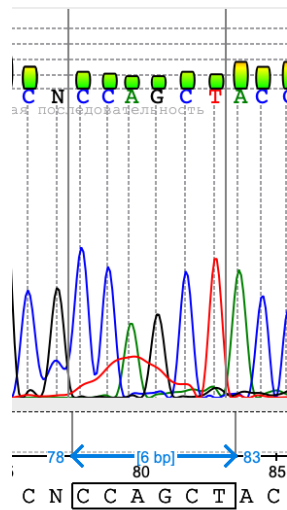


б. Шум мешает интерпретации сигнала



участок 376-379

с. Шум есть, но не мешает интерпретации



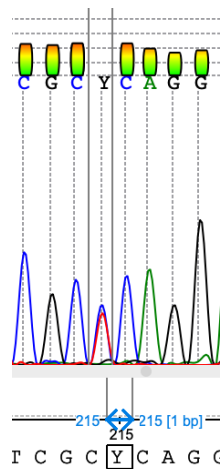
6. Проблемные нуклеотиды/Полиморфизмы:

а. Координата - 215

Полиморфизм

Решение: Оба пика одной высоты и практически нет шума вокруг, поэтому

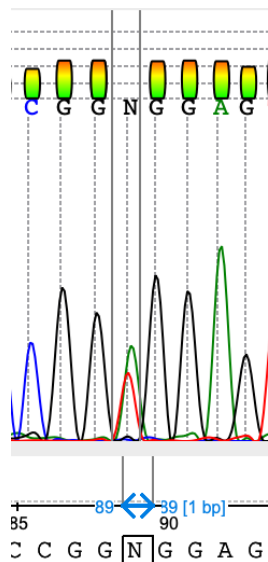
решение 215-Y



b. Координата - 89

Полиморфизм

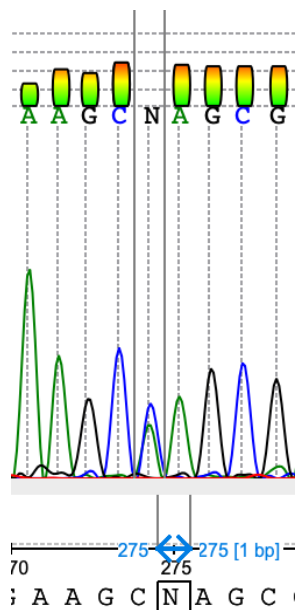
Решение: Разница в высоте пиков мала и практически отсутствует шум вокруг, поэтому решение 89-W



c. Координата - 275

Полиморфизм

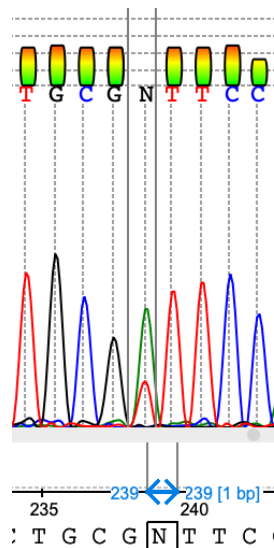
Решение: Разница в высоте пиков мала и практически отсутствует шум вокруг, поэтому решение 89-M



d. Координата - 239

Полиморфизм

Решение: Хотя пики разной высоты из-за отсутствия шума вокруг можно утверждать что оба пика - сигналы. А значит решение 239-W



e. Координата - 263

Полиморфизм

Решение: Хотя пики разной высоты из-за отсутствия шума вокруг можно утверждать что оба пика - сигналы. Решение 263-S

