1. Работа с файлом NC\_001542.gbk: геном Rabies virus.
В строке LOCUS представлена основная информация о геноме вируса, его самые базовые характеристики: количество нуклеотидов в последовательности (11932), какой нуклеиновой кислотой представлена генетическая информация (одноцепочечная РНК), какой она формы (линейной), сколько цепочек (1).
В таблице представлены кодирующие последовательности нуклеотидов, их координаты, направление на цепи и длина. Жёлтым выделен самый короткий ген, красным – самый длинный.
*Таблица 1. Кодирующие последовательности из генома вируса Rabies virus (идентификатор* NC\_001542*)*

|  |  |  |  |  |
| --- | --- | --- | --- | --- |
| **№** | **Начало** | **Конец** | **Направление** | **Длина** |
| **1** | 71 | 1423 | прямая | 1353 |
| **2** | 1514 | 2407 | прямая | 894 |
| **3** | 2496 | 3104 | прямая | 609 |
| **4** | 3318 | 4892 | прямая | 1575 |
| **5** | 5418 | 11846 | прямая | 6429 |

Я ожидала, что длины последовательностей будут делиться на 3, так как 1 аминокислота кодируется тремя нуклеотидами. Действительно, все 5 длин кодирующих последовательностей делятся на 3.