


Сравнение доменов SCOP, ECOD, CATH и Pfam

Для структуры 1B9H был произведен поиск доменов в [Pfam](#), [SCOPE](#), [CATH](#) и [ECOD](#). В структуре 1B9H есть только 1 домен PLP зависимых аминотрансфераз DegT DnrJ EryC1 (рис. 1). В таблице 1 приведены границы каталитического домена в различных сервисах. Любопытно, что в ECOD домен разделён на две части: N-концевую и C-концевую. В CATH выделена только часть, соответствующая N-концевой части домена в ECOD. Таким образом, можно сказать, что данный домен, возможно, состоит из двух поддоменов.



Source	Domain	Start	End
disorder	n/a	8	12
Pfam	DegT_DnrJ_EryC1	15	381
low_complexity	n/a	47	57
low_complexity	n/a	99	110
low_complexity	n/a	134	145
disorder	n/a	195	196
disorder	n/a	211	214

Рисунок 1. Результат поиска доменов в структуре АНВА синтазы в базе данных Pfam

Таблица 1. Сравнение доменов SCOP/SCOPE, ECOD, CATH и Pfam

База данных	Идентификатор домена	Границы домена
Pfam	DegT_DnrJ_EryC1	15-381
SCOPE	A1b9ha	1-388
CATH	1b9hA01	16-249
ECOD	DegT_DnrJ_EryC1_N; DegT_DnrJ_EryC1_C	4-253; 254-388