Обзор протеома бактерии Pandoraea oxalativorans

Факультет биоинженерии и биоинформатики МГУ им. Ломоносова

Автор: Омаров Мурад, muradok98@gmail.com

РЕЗЮМЕ

Работа посвящена исследованию протеома бактерии Pandoraea oxalativorans. Представлены результаты мини-анализа генома данной бактерии.

ВВЕДЕНИЕ

Рапdoraea oxalativorans относятся к Грамотрицательным бактериям. Являются аэробными, неспорообразующими бактериями рода Pandoraea [1]. Как правило, могут быть обнаружены в почве рядом с растением Oxalis sp (кислица). Известно, что период инкубации составляет 1-2 дня. Были впервые найдены в Измире, Турция [2]. Образуют круглые колонии кремового цвета 1-2 мм в диаметре [3].



Pacтение Oxalis sp. [4]

	[5
Число генов	5734
Дата секвенирования	22.11.2014
генома	
Размер генома	5630311(п.н.)

Классификация [6]:

Proteobacteria
Betaproteobacteria
Burkholderiales
Burkholderiaceae
Pandoraea

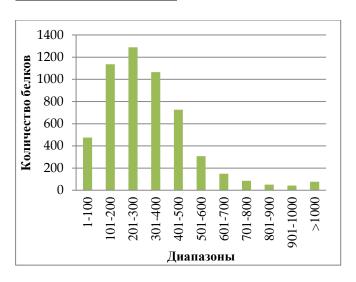
МАТЕРИАЛЫ И МЕТОДЫ

Программой для анализа и обработки данных была программа Microsoft Excel 2010. Большинство данных приведено с базы данных NCBI. Был обработан файл, содержащий полный геном изучаемой бактерии [7] (основа всего обзора). В ходе обработки были использованы различные возможности Excel. Например, функция «СЧЁТЕСЛИ» применялась для подсчета CDS и RNA генов.

РЕЗУЛЬТАТЫ

1. Диаграмма длин белков.

Была создана диаграмма длин всех белков Pandoraea oxalativorans:



Вертикальная ось соответствует количеству белков, а горизонтальная - диапазонам в аминокислотах.

Наибольшее количество белков, как мы можем видеть на гистограмме, находится в диапазоне **201-300**.

2. Распределение генов между прямой и обратной цепями.

В таблице 1 представлено распределение генов белков и РНК между прямой и комплементарной цепями ДНК.

Таблица 1.

«Распределение генов белков и РНК между прямой и комплементарной цепями ДНК»

	Число генов белков	Число генов РНК
Прямая цепь ДНК	2855	28
<u>Комплементарная</u> <u>цепь</u>	2795	56

Таблица 2.

«Количество генов РНК по категориям»

Число некодирующих	
PHK	
	3
Число рРНК	
	12
Число транспортно-	
матричных молекул РНК	
	3
Число тРНК	
	3

Важно отметить, что число генов белков на прямой цепи не сильно отличается от числа генов на обратной.

Некоторые статистические данные по протеому:

Доля числа генов	
белков, приходящаяся	
на прямую цепь:	на обратную:
51%	49%
Доля числа генов РНК,	
приходящаяся на	
прямую цепь:	на обратную:
33%	67%

Данная статистика подтверждает, что гены распределены по цепям случайно.

Еще немного статистики:

Общая длина генома (п.н)	5630311
Количество генов бактерии	5734

Примерная оценка числа генов на 1 млн пар нуклеотидов: 1018

ОБСУЖДЕНИЕ (ВЫВОДЫ)

Подводя итоги, нужно отметить, что у Pandoraea oxalativorans количество генов на прямой и комплементарной цепях различается незначительно.

Также было обнаружено, что большинство белков имеет длину от 200 до 300 аминокислот. На диаграмме виден явный перевес в сторону относительно коротких белков. Это подтверждает суждение о том, что для прокариот не характерны длинные полипептидные цепи.

Таким образом, Pandoraea oxalativorans – типичный прокариотный организм.

<u>СОПРОВОДИТЕЛЬНЫЕ</u> МАТЕРИАЛЫ

Расчеты и таблицы:

http://kodomo.fbb.msu.ru/~muradomarov/proteins.xlsx

Информация о геноме:

http://kodomo.fbb.msu.ru/~muradomarov/bacteriage nom.html

СПИСОК ЛИТЕРАТУРЫ

- [1] wikipedia.org, Pandoraea_oxalativorans
- [2] bacdive.dsmz.de
- [3] microbiology.org
- [4] oxalis-garden.dk
- [5] NCBI, Pandoraea oxalativorans strain DSM 23570, complete genome
- [6] NCBI, Pandoraea oxalativorans
- [7] NCBI, протеном бактерии

ФББ МГУ