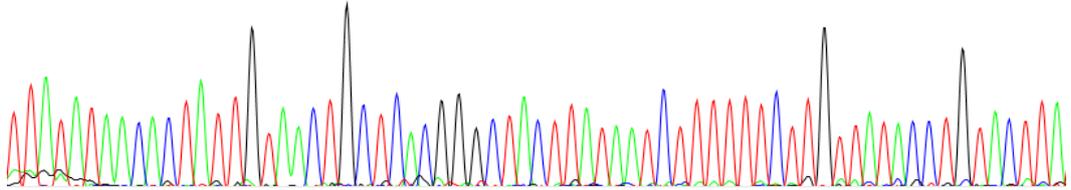




## 5. Шум

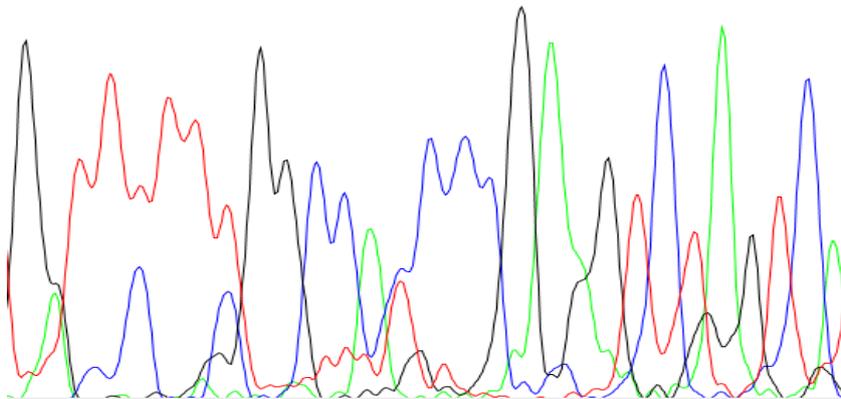
а. “шума” почти нет.

TTATAAACAATTTGTAACGCTCACGGGCTACTTATAATCTTTTTCTTGTATACC TG TACTTA  
130 140 150 160 170 180



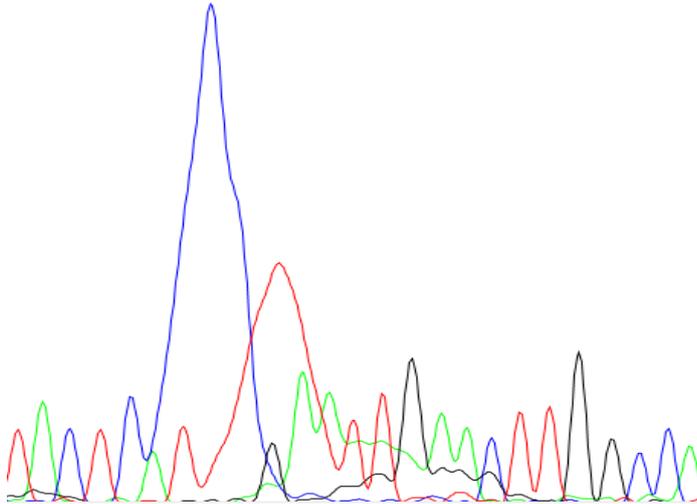
б. “шум” мешает интерпретации сигнала

?  
Help  
G N T T N T T N G G C C A N C C C G A N G T C N A G T C A  
680 690 700



с. “шум” есть, но не мешает интерпретации сигнала (участок 81-87)

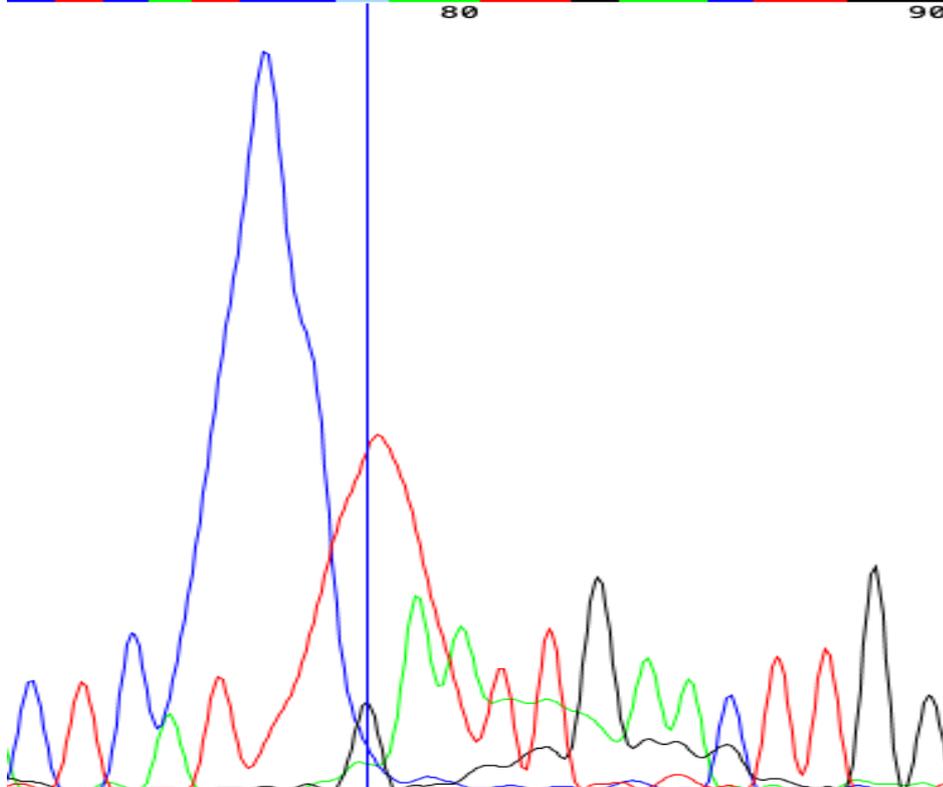
A C T C A T C C G A A T T G A A C T T G G C C A  
70 80 90



6. Описание проблемных нуклеотидов и полиморфизмов

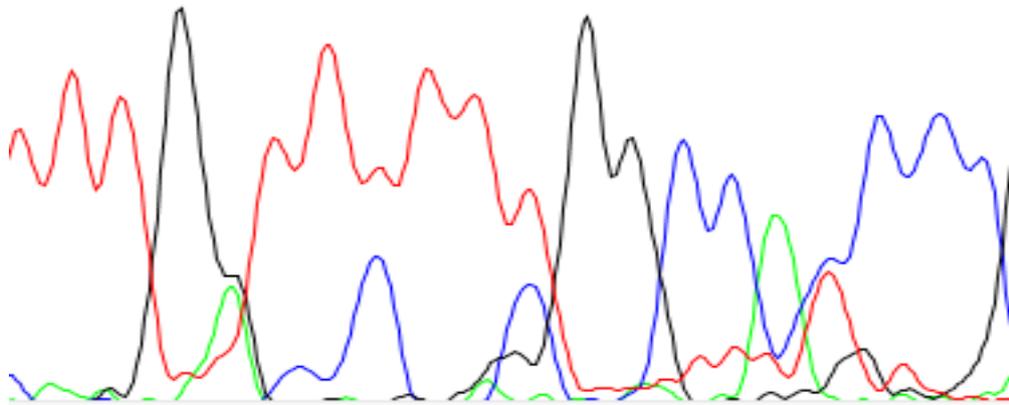
1. Нуклеотид цитозин (номер 77) возникает из-за разного расстояния между сигналами и является лишним. Его нужно удалить.
2. Перед гуанином (номер 78) необходимо добавить тимин. Ошибка вызвана разным расстоянием между сигналами.

C T C A T C C G A A T T G A A C T T G G  
80 90



3. В позиции 673 программа не может определить аденин из-за шума. Букву ‘N’ нужно заменить на ‘A’.

4. В позиции 676 наблюдаются два пика (полиморфизм), что вызвано скорее всего гетерозиготностью, так как можно выделить два четких пика. Нужно заменить 'N' на 'Y'.
5. В позиции 679 ситуация аналогичная описанной в пункте 4: полиморфизм, вызванный гетерозиготностью, так как оба пика чёткие. Букву 'N' следует заменить на 'Y'.



6. Гуанин (номер 714) является лишним, что вызвано разным расстоянием между сигналами. Его нужно удалить.
7. В позиции 715 'N' нужно заменить на 'A'. Ошибка вызвана разным расстоянием между сигналами.

